

# GA-Bulge-Loop miRNA qRT-PCR Detection Kit 使用说明

## 产品介绍

Bulge-Loop miRNA qRT-PCR 是一种常用的 miRNA 表达量的检测方法，基于特异性的茎环状 RT 引物进行 RT 反应，再结合特异性的正向引物进行 qPCR 检测，具有很高的灵敏度和特异性，确保反应不受其前体及其他因素干扰；序列高度同源的 miRNAs 也可精确区分。该方法采用 SYBR Green 染料检测。

产品中的 2X Universal SYBR Green Fast qPCR Mix 是采用 SYBR® Green I 嵌合荧光法进行 qPCR 反应的专用试剂，包含除了引物和模板外的所有 qPCR 所需成分。本产品为通用型试剂，使用基因安生物设计的特殊参比染料，具有更灵敏的分辨率，并且适用于市面上所有型号的荧光定量 PCR 仪器（包括 High ROX, Low ROX 以及 No ROX 需求的仪器）。本产品通过对 SYBR® / FAM 通道进行荧光信号定量检测，获得 PCR 过程中 DNA 扩增的真实数据。且本产品采用热启动 Taq DNA 聚合酶进行扩增，在保证扩增效果的同时极大地提高了产品的特异性。

组分编号	组分名称	规格	RXN
GAS1010-1	5 x RT Buffer	200μL	100T
GAS1010-2	RTase Mix	200μL	100T
GAS1010-3	2X Universal SYBR Green Fastq PCR Mix	3x1mL	300T

## GA-Bulge-Loop miRNA qRT-PCR Detection Kit 组分明细

### 使用前注意事项：

- 1) 在操作过程中，需注意避免（核酸酶 RNAase，温度，极端 PH 等）可能导致的产品降解。请遵循 RNA 及 DNA 的操作规范，带手套操作，ep 管，移液枪和枪头等都要避免污染，实验过程中，产品最好于冰上放置。
- 2) 对于细胞，组织样本（人，大鼠，小鼠）的 miRNA 相对定量检测分析，一般建议使用 U6 snRNA、5S rRNA 通用引物作为内参。其他物种的内参引物需客户自行选择确定。
- 3) 细胞上清/血浆/血清/尿液等及外泌体的 miRNA qPCR 检测需要在提取 RNA 前加入外参标准品 miRNA（常用外参标准品：cel-miR-39-3p）。细胞/组织等类型样本如不需要做绝对定量检测，一般无需添加外参。

## 实验方法

### 逆转录 RT 反应

取对应 miRNA 的 Bulge-Loop miRNA RT Primer (10umol/L)，需对应目的 miRNA 使用，振荡混匀。

### 1. RT反应体系

以 10ul RT 反应体系进行实验（冰上操作）：

试剂	加量/孔
RNA 模板(0.5~2ug)	? ul
Bulge-Loop miRNA RT Primer (10umol/L)	0.4ul
5X RT Buffer	2ul
RTase Mix	2ul
无 RNAase 水/DEPC 水	补齐至 10ul

### 2. RT反应条件

RT反应体系混匀后，瞬时离心，RT 反应程序为：42℃反应60 分钟，70℃反应10分钟。

#### 注意事项：

1. RT 反应体系可按照实验需求等比缩放。
2. RT 引物浓度可在 200nM ~ 800nM 之间优化；

- RNA 模板体积较大时，请确保 RNA 是溶于水中而不是 TE Buffer 中，因为 TE 会抑制逆转录反应。
- RT 反应结束后请立即将 cDNA 产物取出，逆转录产物 cDNA(RT 反应液)可立即进行后续 qPCR 反应，或置于 -20 °C 保存并在 3 个月内使用；长期存放建议分装后在 -80°C 保存。cDNA 应避免反复冻融。
- 每个 miRNA 及内参建议分别单独逆转录，有合并逆转录需要的，需先行比较合并逆转录结果和单独逆转录结果是否一致。

### miRNA qPCR 反应（冰上操作）

染料法定量 PCR 20 μL 反应加样量体系（推荐以 20ul qPCR 反应体系进行实验）

试剂	终浓度	加量/孔
2X Universal SYBR Green Fast qPCR Mix	1×	10 μL
Bulge-Loop miRNA Forward Primer (10 μmol/L)	0.2 μmol/L	0.4 μL
Bulge-Loop miR-Reverse Primer (10 μmol/L)	0.2 μmol/L	0.4 μL
RT product (建议100pg-50ng之间为佳)		Variable
无RNAase水/DEPC水		补至 20 μL

注意 事项：

- 配制好反应体系轻轻混匀上述反应体系（避免剧烈涡旋振荡）
- Forward Primer, Reverse Primer 初始反应浓度推荐使用 200nM，最佳浓度可以在 100nM ~ 800nM 之间优化；。扩增效率不高的情况下，可提高引物的浓度；发生非特异性反应时，可降低引物浓度，并优化反应体系。
- DNA最高使用量不宜超过 qPCR 反应体系的 1/10，对于表达丰度较高的miRNA，可将 cDNA 稀释后再进行qPCR，一般稀释比例可以在 10 ~ 1000 倍之间，请根据具体的Ct 值进行调整。
- 该miRNA qPCR反应程序适用于市面上所有型号的荧光定量PCR仪器（包括HighROX、LowROX以及NoROX需求的仪器），无需额外添加ROX。
- Bulge-Loop miR-Reverse Primer为miRNA通用引物，但不可用于U6/5S，U6/5S需用对应的U6/5S的Reverse Primer。
- 2 X universal SYBR Green Fast qPCR Mix在使用前请充分融解，避免强光直射，并注意避光保存。
- 2 X universal SYBR Green Fast qPCR Mix中含有甘油，在使用前请轻轻混匀，避免产生气泡；取用之前应混匀并离心。使用后应立即放回-20°C冰箱保存。
- 2 X universal SYBR Green Fast qPCR Mix含有DNA聚合酶，使用时请置于冰上，短时间内多次使用可在4°C暂存，应尽量避免反复冻融。

### 实时定量 PCR 反应程序

客户可依据具体需求以及结合日常 qPCR 常用程序选择二步法或者三步法来进行 qPCR 反应。

二步法qPCR程序设置如下：

循环	步骤	温度	时间	内容
1 X	预变性	95°C	3 min	Taq 酶激活
40 X	变性	95°C	5 sec	PCR 模板变性
	退火+延伸	60°C	30~34 sec	退火+延伸

溶解曲线分析：采集荧光信号，建议按照仪器qPCR反应程序仪器默认的采集信号设置

\*注：确保延伸后立刻进行荧光信号采集。延伸时间根据qPCR仪所需数据采集时间自行调整：使用 StepOnePlus请设定为30s；使用7300请设定为31s；使用7500请设定为34s。

三步法qPCR程序设置如下:

循环	步骤	温度	时间	内容
1 X	预变性	95°C	3 min	Taq 酶激活
40 X	变性	95°C	5 sec	PCR 模板变性
	退火	60°C	20 sec	退火
	延伸	70°C	10 sec	延伸

溶解曲线分析: 采集荧光信号, 建议按照仪器qPCR反应程序仪器默认的采集信号设置

**备注:**

1: 无特殊说明, 我司 qPCR 引物退火温度均按  $60 \pm 3^\circ\text{C}$  进行设计。qPCR 程序设置时选择通用退火温度  $60^\circ\text{C}$ , 最佳退火温度可在  $57^\circ\text{C} \sim 63^\circ\text{C}$  之间适当调整;

2: 部分仪器如 ABI 系列仪器收集荧光信号需要较长的恒温时间方能收集信号, 使用此类仪器建议使用两步法, 将退火及延伸反应合并, 退火延伸温度设置为  $60^\circ\text{C}$ , 时间设置为仪器收集信号所需的最短时间。

3: SYBR Green 染料法进行的 qPCR 检测反应都需要在循环结束后立即进行溶解曲线分析, 检测温度为  $70^\circ\text{C} \sim 95^\circ\text{C}$ , 升温速率为  $0.5^\circ\text{C}/\text{次}$ , 恒温时间为  $5 \text{ sec}/\text{次}$ 。

**数据分析**

1. 重复管之间Ct值的STD < 0.2, 不同批次间同一实验的Ct值的 STD < 0.5 (不同批次同一实验对比需保证阈值设置基本一致)。

2. 扩增产物的溶解曲线无明显非特异性扩增产物(杂峰)或引物二聚体杂峰(必要时请进行琼脂糖电泳确认), 并且溶解曲线的Tm值一般在 $80\text{-}95^\circ\text{C}$ 之间。

**温馨提示:** 如涉及到使用本公司产品发表文章请引用产品来源, GeneAdv Co. Ltd, Suzhou, China, 基安生物技术(苏州)有限公司。对于引用注释本公司产品发表的 SCI paper, 联系销售或者本公司, 可获取对应的科研奖励金。